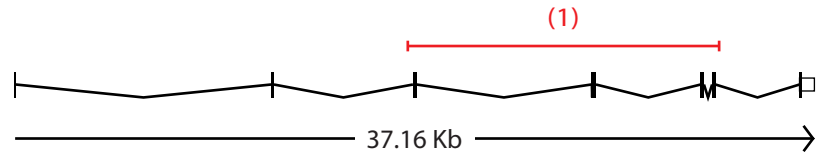


Supplementary Figure 6

IFNGR2



(1)

```

1 ---M--D--F--N--V--T--L--R--L--R--A--E--L--G--A--L--H--S--A--W--V--T--I--P--W--F--Q--H--Y--R--N--V--T 33
● 1 CAATGGATTTCAATGTCACCTCTACGTCCTTCGAGCTGAGCTGGGAGCACTGCATTCTGCCTGGGTGACAAATACCTTGGTTTCAACACTATCGGAATGTGAC 100
● 1 CAATGGATTTCAATGTCACCTCTGCGTCTTCGAGCTGAGCTGGGAGCACTGCATTCTGCCTGGGTGTATTATATCTATAATACAF--TATGTGTATGTTGAC 97
1 P--M--D--F--N--V--T--L--R--L--R--A--E--L--G--A--L--H--S--A--W--C--I--I--S--I--I--H--M--C--M--L--T 33

34 --V--G--P--P--E--N--I--E--V--T--P--G--E--G--S--L--I--I--R--F--S--S--P--F--D--I--A--D--T--S--T--A--F--66
101 TGTGGGCTCCAGAAAACATTGAGGTGACCCAGGAGAAAGGCTCCCTCATCATCAGGTTCTCCTCTCCCTTTGACATCGTGATACCTCCACAGCCTTTT 201
98 TGTGGGCTCCAGAAAACATTGAGGTGACCCAGGAGAAAGGCTCCCTCATCATCAGGTTCTCCTCTCCCTTTGACATCGTGATGCTCCACAGCCTTTT 198
34 --V--G--P--P--E--N--I--E--V--T--P--G--E--G--S--L--I--I--R--F--S--S--P--F--D--I--A--D--A--S--T--A--F--66

67 F--W--Y--Y--V--H--Y--W--E--K--G--G--I--Q--Q--V--K--P--F--R--S--N--S--I--S--L--D--N--L--K--P--F--99
202 TTTGGTATTATGTCCATTACTGGGAAAAAGGAGGAATCCAACAGTCAAG--GCCCTTTCAGAAGCAACTCCATTTTCATTGGATAACTTAAACCCCTTC 299
199 TTTGGTATTATGTCCATTACTGGGAAAAAGGAGGAATCCAACAGTCAAGAGCATGCCCTTTCAGAAGCAACTCCATTTTCATTGGATAACTTAAACCCCTTC 299
67 F--W--Y--Y--V--R--Y--W--E--K--G--L--Q--Q--A--R--A--C--P--F--R--S--N--S--I--S--L--D--N--L--K--P--F--100

100 -R--V--Y--C--L--Q--V--Q--A--Q--L--L--W--N--K--S--N--I--F--R--L--G--H--L--S--N--T--S--C--Y--E--T--M--A 133
300 AGAGTGACTGTTTACAAGTCCAGGCACAACCTGCTTTGGAAACAAAAGTAACATCTTTAGACTGGGGCATTTAAGCAACACTCTTGCTACGAAACAATGGC 400
300 AGAGTGACTGTTTACAAGTCCAGGCACAACCTGCTTTGGAAACAAAAGTAACATCTTTAGACTGGGGCATTTAAGCAACACTCTTGCTACGAAACAATGGC 400
101 -R--V--Y--C--L--Q--V--Q--A--Q--L--L--W--N--K--S--N--I--F--R--L--G--H--L--S--N--T--S--C--Y--E--T--M--A 134

134 --D--A--S--T--E--L--Q--Q--V--I--L--I--S--V--G--T--F--S--L--L--S--V--L--A--G--N--A--C--F--F--L--V--L--K--166
401 AGATGCCTCCACCGAGCTTCAGCAAGTCATCCTGATCTCTGTGGGAACATTTTCGTTGCTGTCGGTGTGGCAGGGGCTGTTTCTTCTGGTCTGAAAT 501
401 AGATGCCTCCACCGAGCTTCAGCAAGTCATCCTGATCTCTGTGGGAACATTTTCGTTGCTGTCGGTGTGGCAGGGGCTGTTTCTTCTGGTCTGAAAT 501
135 --D--A--S--T--E--L--Q--Q--V--I--L--I--S--V--G--T--F--S--L--L--S--V--L--A--G--N--A--C--F--F--L--V--L--K--167

167 Y--R--G--L--I--K--Y--W--F--H--T--P--P--S--I--P--L--Q--I--E--E--Y--L--K--D--P--T--Q--P--I--L--E--A--L 200
502 ATAGAGGCCTGATTAATACTGGTTTACACACTCCACCAAGCATTCCGTTACAGATAGAAGAGTATTTAAAGGACCCCAACCAACCTATCTTAGAGGCCTTG 602
502 ATAGAGGCCTGATTAATACTGGTTTACACACTCCACCAAGCATTCCGTTACAGATAGAAGAGTATTTAAAGGACCCCAACCAACCTATCTTAGAGGCCTTG 602
168 Y--R--G--L--I--K--Y--W--F--H--T--P--P--S--I--P--L--Q--I--E--E--Y--L--K--D--P--T--Q--P--I--L--E--V--L 201

--
603 GA 201
603 GA 604
D 604
D 202
    
```

● Macaca mulatta

● Chlorocebus sabaeus

extracellular

transmembrane

cytoplasmic