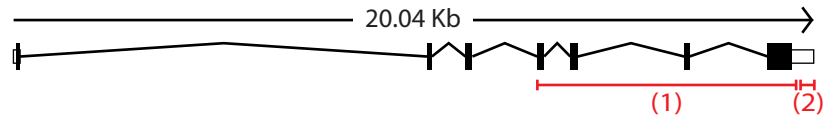


Supplementary Figure 5

IFNGR1



(1)

```

1 ---E---E---Q---E---V---D---Y---D---P---E---T---T---C---Y---I---K---V---Y---N---V---Y---V---R---M---N---G---S---E---I---Q---Y---K---I 33
● 1 GAGAAGAGCAGGAAGT CGATTATGATCCAGAAACTACCTGTTACATTAAGGTGTACAATGTGTATGTGAGAATGAACGGAAGTGAGATCCAGTATAAAAT 100
● 1 GAGAAGAGCAGGAAGT CGATTATGATCCAGAAACTACCTGTTACATTAAGGTGTACAATGTGTATGTGAGAATGAACGGAAGTGAGATCCAGTATAAAAT 100
1 G---E---E---Q---E---V---D---Y---D---P---E---T---T---C---Y---I---K---V---Y---N---V---Y---V---R---M---N---G---S---E---I---Q---Y---K---I 34

34 ---L---T---Q---K---E---D---D---C---D---E---I---Q---C---Q---L---A---I---P---V---S---S---L---N---S---Q---Y---C---V---S---A---E---G---V 66
101 ACTGACG CAGAGAAGGATGATTGTGACGAGATTCCAGTCCAGTTCAGGATTCCAGTGTCTCACTGAATTCCTCACTACTGTTTCAGCAGAAGGAGT C 200
101 ACTGACG CAGAGAAGGATGATTGTGACGAGATTCCAGTCCAGTTCAGGATTCCAGTGTCTCACTGAATTCCTCACTACTGTTTCAGCAGAAGGAGT C 200
35 ---L---T---Q---K---E---D---D---C---D---E---I---Q---C---Q---L---V---I---P---V---S---S---L---N---S---Q---Y---C---V---S---A---E---G---V 67

67 ---L---H---V---W---G---V---T---T---E---K---S---K---E---V---C---I---T---I---F---N---S---S---I---K---G---S---L---W---I---P---V---V---A--- 99
201 TTACATGTATGGGG GTTACAACCTGAAAAGTCAAAAAGAAGTTTGTATTACCATTTTCAATAGCAGCATAAAAAGTTCTCTTTGGATTCCAGTTGTTGCTG 300
201 TTACATGTATGGGG GTTACAACCTGAAAAGTCAAAAAGAAGTTTGTATTACCATTTTCAATAGCAGCATAAAAAGTTCTCTTTGGATTCCAGTTGTTGCTG 300
68 ---L---H---V---W---G---V---T---T---E---K---S---K---E---V---C---I---T---I---F---N---S---S---I---K---G---S---L---W---I---P---V---V---A--- 100

100 A---L---L---L---F---L---V---L---S---L---V---L---I---C---F---Y---I---K---K---I---N---P---L---K---E---K---S---I---I---L---P---K---S---L 133
301 CTTTACTACTCTTTCTAGTACTTAGCCTGGTATTGATCTGTTTTTATTAAGAAGATTAATCCATTGAAAGGAAAAAGCATAAATATTCCCAAGTCTTT 400
301 CTTTACTACTCTTTCTAGTACTTAGCCTGGTATTGATCTGTTTTTATTAAGAAGATTAATCCATTGAAAGGAAAAAGCATAAATATTCCCAAGTCTTT 400
101 A---L---L---L---F---L---V---L---S---L---V---L---I---C---F---Y---I---K---K---I---N---P---L---K---E---K---S---I---I---L---P---K---S---L 134

134 ---I---S---V---V---R---S---A---T---L---E---T---K---P---E---S---K---Y---V---S---L---I---T---S---Y---Q---P---F---S---L---E---K---E---V 166
401 GATCTCTGTGGT AAGAAGTGCTACTTTAGAGACAAAACCTGAATCAAAATATGTATCACTCATCATCATACACAGCCATTTTCTTAGAAAAGGAGGTTG 500
401 GATCTCTGTGGT AAGAAGTGCTACTTTAGAGACAAAACCTGAATCAAAATATGTATCACTCATCATCATACACAGCCATTTTCTTAGAAAAGGAGGTTG 500
135 ---I---S---V---V---R---S---A---T---L---E---T---K---P---E---S---K---Y---V---S---L---I---T---S---Y---Q---P---F---S---L---E---K---E---V 167

167 ---V---C---E---E---P---L---S---P---A---T---V---P---G---M---H---T---E---D---N---P---G---K---V---E---H---T---E---E---L---S---S---I---T--- 199
501 GTCTGTGAAGA CCGTTGTCTCCAGCAACAGTTCAGGCATGCATACGAAGACAATCCAGGAAAAGTAGAGCATACAGAAGAACTTTCTAGTATAACAG 600
501 GTCTGTGAAGA CCGTTGTCTCCAGCAACAGTTCAGGCATGCATACGAAGACAATCCAGGAAAAGTAGAGCATACAGAAGAACTTTCCAGTATAACAG 600
168 ---V---C---E---E---P---L---S---P---A---T---V---P---G---M---H---T---E---D---N---P---G---K---V---E---H---T---E---E---L---S---S---I---T--- 200

200 E---V---V---T---T---E---E---N---I---P---D---M---A---P---G---S---H---L---T---P---I---E---R---E---S---S---S---P---L---S---S---N---Q---S 233
601 AAGTGGTGACAACCTGAAGAAAACATTCCTGACATGGCCCCGGGCGAGCCATCTGACTCCAATAGAGAGAGAGAGTTCTTACACCTTAAAGTAGTAACCAAGT C 700
601 AAGTGGTGACAACCTGAAGAAAACATTCCTGACATGGCCCCGGGCGAGCCATCTGACTCCAATAGAGAGAGAGAGTTCTTACACCTTAAAGTAGTAACCAAGT C 700
201 E---V---V---T---T---E---E---N---I---P---D---M---A---P---G---S---H---L---T---P---I---E---R---E---S---S---S---P---L---S---S---N---Q---S 234

234 ---E---P---C---S---V---Q---N---A---L---N---S---Y---H---S---R---N---C---S---D---S---D---H---S---R---N---G---F---D---A---D---S---S---C 266
801 TGAACCCCTGCAGCGTTCAGAACGCTTTAAACTCCTATCACTCCAGAAATGTTCTGATAGTGATCACTCCAGAAATGGTTTTGATACTGATTCCAGCTGT 800
701 TGAACCCCTGCAGCGTTCAGAACGCTTTAAACTCCTATCACTCCAGAAATGTTCTGATAGTGATCACTCCAGAAATGGTTTTGATACTGATTCCAGCTGT 794
235 ---E---P---C---S---V---Q---N---A---L---N---S---Y---H---S---R---N---C---S---D---S---D---H---S---R---N---G---F---D---A---D---S---S---C 265

267 ---L---E---S---R---N---S---L---S---D---S---E---F---P---P---N---N---K---G---E---I---K---T---E---G---Q---E---L---I---T---V---I---K---A--- 299
901 CTGGAATCACGTAACCTCTTATCTGATT CAGAATTTCCCCCAAATAATAAAGGTGAAATAAAAACAGAAGGACAAGAGCTCATAACAGTAATAAAAGGCC 900
795 CTGGAATCACGTAACCTCTTATCTGATT CAGAATTTCCCCCAAATAATAAAGGTGAAATAAAAACAGAAGGACAAGAGCTCATAACAGTAATAAAAGGCC 891
266 ---L---E---S---H---N---S---S---D---S---E---F---P---P---N---N---K---G---E---I---K---T---E---G---Q---E---L---I---T---V---I---K---A--- 297

300 P---T---S---F---G---Y---D---K---P---H---V---L---V---D---L---L---V---D---D---G---R---K---E---S---L---I---G---Y---R---P---T---E---G---S 333
901 CCACCTCCTTTGGTTATGATAAACCGCATGTGCTAGTGGATCTACTTGTGGATGATGGCCGCAAAAGAGTCCTTGATTGGTTACAGACCAACAGAAGGTT C 1000
892 CCACCTCCTTTGGTTATGATAAACCGCATGTGCTAGTGGATCTACTTGTGGATGATGGCCGCAAAAGAGTCCTTGATTGGTTACAGACCAACAGAAGGTT C 991
298 P---T---S---F---G---Y---D---K---P---H---V---L---V---D---L---L---V---D---D---G---R---K---E---S---L---I---G---Y---R---P---T---E---G---S 331

334 ---K---E---F---S---* 338
1001 CAAAGAATTTTCATGAGATCAGCTAAGATGCACCAACTGTGAAGTCTCATTTTCTGGACAGTTTTCTGCTTTGATTTTCATGAAAAGATTATGA 1094
992 CAAAGAATTTTCATGAGATCAGCTAAGATGCACCAACTGTGAAGTCTCATTTTCTGGACAGTTTTCTGCTTTGATTTTCATGAAAAGATTATGA 1085
332 ---K---E---F---S---* 336

(2)
● 1 AGGTGATGCCCCAGGGACCTTTGTAGCCACTTCACTTTTTTTCTTTCTCTGCCTTGATA TAGCATATGTTTTTGTAAAGTTTTATGCATACAGTAATTT 100
● 1843 AGGTGATGCCCCAGGGACCTTTGTAGCCACTTCACTTTTTTTCTTTCTCTGCCTTGATA TAGCATATGTTTTTGTAAAGTTTTATGCATACAGTAATTT 1942

101 TAAGTGGTTAATTT CAGAAGAAATTCGCAAGCTTTTCAAATTTGGAAGTAAATCTAATTCAAACTAATAGAATTAATGGAA TGTAATAA AAAGCT 197
1943 TAAGTGGTTAATTT CAGAAGAAATTCGCAAGCTTTTCAAATTTGGAAGTAAATCTAATTCAAACTAATAGAATTAATGGAA TGTAATAA AAAGCT 2042

198 GTATATATTTTTTATGAAACTTTACAGTTAGAGATTTTTAAATAAAGAATTTT 250
2043 GTATATATTTTTTATGAAACTTTACAGTTAGAGATTTTTAAATAAAGAATTTT 2095
    
```

● Macaca mulatta

● Chlorocebus sabaeus

■ extracellular

■ transmembrane

■ cytoplasmic