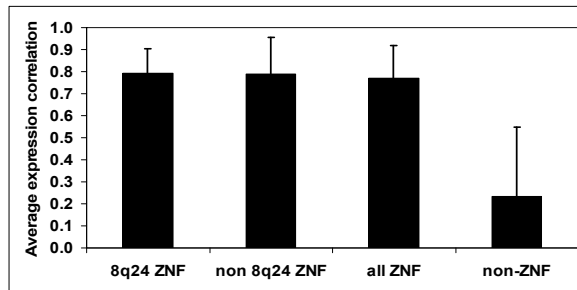
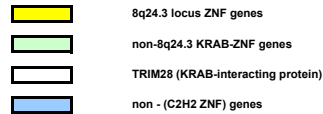


Additional file 10:

Gene expression similarities based on the expression profiles in 27 tissues and calculated with:
Distance = 1 – abs (Pearson correlation coefficient)

	ZNF251	ZNF34	ZNF517	ZNF7	ZNF250	ZNF16	ZNF252	ZNF10	ZNF136	ZNF25	ZNF439	ZNF101	ZNF23	ZNF20	ZNF248	ZNF224	ZNF228	TIF1b	TBP	Foxp3	USP38	Senp6	Raf	Sox7	BLZF1	FGF18	ITGB1BP2	GAPDH	IL8	KDM6A
ZNF251	1	0.91	0.82	0.73	0.94	0.88	0.88	0.8	0.92	0.85	0.92	0.55	0.93	0.8	0.93	0.89	0.91	0.67	0.57	0.078	0.77	0.86	0.89	0.098	0.92	0.18	0.022	0.14	-0.035	0.91
ZNF34	0.91	1	0.77	0.7	0.96	0.86	0.73	0.75	0.82	0.8	0.86	0.47	0.87	0.69	0.88	0.82	0.87	0.67	0.57	0.072	0.65	0.81	0.78	0.016	0.81	0.17	0.017	0.13	-0.034	0.81
ZNF517	0.82	0.77	1	0.79	0.74	0.87	0.7	0.72	0.75	0.45	0.62	0.49	0.66	0.72	0.62	0.68	0.57	0.75	0.66	0.15	0.54	0.46	0.67	0.12	0.73	0.21	-0.019	0.1	-0.15	0.62
ZNF7	0.73	0.7	0.79	1	0.58	0.92	0.57	0.91	0.7	0.46	0.69	0.57	0.71	0.92	0.65	0.65	0.56	0.93	0.88	0.2	0.56	0.48	0.74	0.096	0.81	0.24	0.097	0.096	-0.055	0.6
ZNF280	0.94	0.96	0.74	0.58	1	0.77	0.84	0.65	0.88	0.86	0.87	0.45	0.87	0.61	0.91	0.88	0.92	0.52	0.4	0.045	0.72	0.86	0.81	0.074	0.8	0.1	0.014	0.15	-0.022	0.87
ZNF16	0.88	0.86	0.87	0.92	0.77	1	0.65	0.92	0.76	0.6	0.78	0.53	0.81	0.9	0.76	0.7	0.7	0.9	0.85	0.12	0.59	0.63	0.78	0.07	0.84	0.26	0.064	0.095	-0.099	0.71
ZNF252	0.88	0.73	0.7	0.57	0.84	0.65	1	0.62	0.96	0.82	0.82	0.4	0.84	0.65	0.87	0.89	0.87	0.39	0.3	-0.042	0.87	0.82	0.83	0.12	0.88	0.063	0.095	0.22	0.026	0.85
ZNF10	0.8	0.75	0.72	0.91	0.65	0.92	0.62	1	0.76	0.65	0.81	0.52	0.85	0.98	0.77	0.85	0.72	0.89	0.91	0.062	0.62	0.67	0.76	0.0015	0.89	0.36	0.04	0.067	-0.048	0.7
ZNF136	0.92	0.82	0.75	0.7	0.88	0.76	0.96	0.76	1	0.84	0.9	0.53	0.91	0.78	0.93	0.94	0.91	0.56	0.47	0.066	0.83	0.85	0.86	0.13	0.94	0.14	0.031	0.093	0.013	0.89
ZNF25	0.85	0.8	0.45	0.46	0.86	0.6	0.82	0.65	0.84	1	0.92	0.39	0.92	0.61	0.95	0.82	0.98	0.37	0.31	-0.037	0.82	0.99	0.81	0.031	0.84	0.13	0.14	0.22	0.029	0.89
ZNF439	0.92	0.86	0.62	0.69	0.87	0.78	0.82	0.81	0.9	0.92	1	0.63	0.98	0.81	0.97	0.91	0.96	0.64	0.54	0.17	0.78	0.95	0.88	-0.0085	0.93	0.18	0.018	0.094	0.068	0.95
ZNF101	0.55	0.47	0.49	0.57	0.45	0.53	0.4	0.52	0.53	0.39	0.63	1	0.53	0.59	0.46	0.68	0.44	0.63	0.48	0.81	0.44	0.43	0.53	-0.042	0.56	0.052	-0.056	-0.0085	0.063	0.64
ZNF23	0.93	0.87	0.66	0.71	0.87	0.81	0.84	0.85	0.91	0.92	0.98	0.53	1	0.84	0.96	0.87	0.95	0.65	0.6	0.021	0.8	0.93	0.86	-0.007	0.95	0.21	-0.013	0.11	0.088	0.93
ZNF20	0.8	0.69	0.72	0.92	0.61	0.9	0.65	0.98	0.78	0.61	0.81	0.59	0.84	1	0.75	0.69	0.69	0.88	0.89	0.13	0.63	0.64	0.76	0.033	0.9	0.34	0.02	0.033	-0.013	0.71
ZNF248	0.93	0.88	0.62	0.65	0.91	0.76	0.87	0.77	0.93	0.95	0.97	0.46	0.96	0.75	1	0.9	0.99	0.54	0.45	0.0018	0.79	0.96	0.87	0.084	0.92	0.16	0.065	0.11	0.016	0.93
ZNF224	0.89	0.82	0.68	0.65	0.88	0.7	0.89	0.65	0.94	0.82	0.91	0.68	0.87	0.69	0.9	1	0.88	0.53	0.38	0.28	0.77	0.84	0.84	0.11	0.88	0.063	-0.018	0.056	0.12	0.92
ZNF228	0.91	0.87	0.57	0.56	0.92	0.7	0.87	0.72	0.91	0.98	0.96	0.44	0.95	0.69	0.99	0.88	1	0.47	0.39	-0.02	0.79	0.99	0.84	0.061	0.89	0.16	0.049	0.12	0.014	0.93
TRIM28	0.67	0.67	0.75	0.93	0.52	0.9	0.39	0.89	0.56	0.37	0.64	0.63	0.65	0.88	0.54	0.53	0.47	1	0.93	0.32	0.42	0.4	0.64	0.037	0.7	0.3	0.037	0.062	-0.095	0.55
TBP	0.57	0.57	0.66	0.88	0.4	0.85	0.3	0.91	0.47	0.31	0.54	0.48	0.6	0.89	0.45	0.38	0.39	0.93	1	0.14	0.35	0.33	0.51	-0.04	0.65	0.38	-0.0054	0.026	-0.063	0.41
Foxp3	0.078	0.072	0.15	0.2	0.045	0.12	-0.042	0.062	0.066	-0.037	0.17	0.81	0.021	0.13	0.0018	0.28	-0.02	0.32	0.14	1	0.011	-0.019	0.11	-0.077	0.055	-0.045	-0.016	-0.043	-0.053	0.18
USP38	0.77	0.65	0.54	0.56	0.72	0.59	0.87	0.62	0.83	0.82	0.78	0.44	0.8	0.63	0.79	0.77	0.79	0.42	0.35	0.011	1	0.79	0.85	0.075	0.82	0.062	0.41	0.57	0.063	0.8
Senp6	0.86	0.81	0.46	0.48	0.86	0.63	0.82	0.67	0.85	0.99	0.95	0.43	0.93	0.64	0.96	0.84	0.99	0.4	0.33	-0.019	0.79	1	0.81	0.033	0.85	0.14	0.068	0.14	0.055	0.91
Raf	0.89	0.78	0.67	0.74	0.81	0.78	0.83	0.76	0.86	0.81	0.88	0.53	0.86	0.76	0.87	0.84	0.84	0.64	0.51	0.11	0.85	0.81	1	0.16	0.88	0.1	0.23	0.35	0.05	0.85
Sox7	0.098	0.016	0.12	0.096	0.074	0.07	0.12	0.0015	0.13	0.031	-0.0085	-0.042	-0.007	0.033	0.084	0.11	0.061	0.037	-0.04	-0.077	0.075	0.033	0.16	1	0.055	-0.029	0.12	-0.015	-0.14	0.15
BLZF1	0.92	0.81	0.73	0.81	0.8	0.84	0.88	0.89	0.94	0.84	0.93	0.56	0.95	0.9	0.92	0.88	0.89	0.7	0.65	0.065	0.82	0.85	0.88	0.055	1	0.23	0.064	0.1	0.042	0.88
FGF18	0.18	0.17	0.21	0.24	0.1	0.26	0.063	0.36	0.14	0.13	0.18	0.052	0.21	0.34	0.16	0.063	0.15	0.3	0.38	-0.045	0.062	0.14	0.1	-0.029	0.23	1	0.2	0.077	-0.086	0.087
ITGB1BP2	0.022	0.017	-0.019	0.097	0.014	0.064	0.095	0.04	0.031	0.14	0.018	-0.056	-0.013	0.02	0.065	-0.018	0.049	0.037	-0.0054	-0.016	0.41	0.068	0.23	0.12	0.064	0.2	1	0.77	-0.1	0.0077
GAPDH	0.14	0.13	0.1	0.096	0.15	0.095	0.22	0.067	0.093	0.22	0.094	-0.0085	0.11	0.033	0.11	0.086	0.12	0.062	0.026	-0.043	0.57	0.14	0.35	-0.015	0.1	0.077	0.77	1	-0.006	0.12
IL8	-0.035	-0.034	-0.15	-0.055	-0.022	-0.099	0.026	-0.048	0.013	0.029	0.068	0.063	0.088	-0.013	0.016	0.12	0.014	-0.095	-0.063	0.063	0.055	0.05	-0.14	0.042	-0.086	-0.1	-0.006	0.1	0.085	
KDM6A	0.91	0.81	0.62	0.6	0.87	0.71	0.85	0.7	0.89	0.89	0.95	0.64	0.93	0.71	0.93	0.92	0.93	0.55	0.41	0.18	0.8	0.91	0.85	0.15	0.88	0.087	0.0077	0.12	0.088	1



Group-wise calculation of average expression similarities (based on distance measure in table above). Error bars describe standard deviations. Note, that TRIM28 is not included in any group